

FONDAMENTI DI INFORMATICA C

FRANCO ZAMBONELLI

GLI ALBERI

STRUTTURE NON LINEARI

Si dicono in generale **GRAFI**

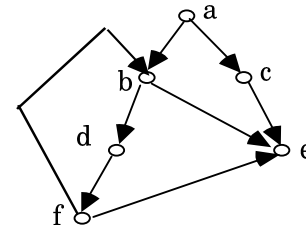
- Insieme di nodi (contengono gli atomi)
- Connessi da relazioni binarie (archi orientati "da" un nodo "a" un altro)

Grado di ingresso di un nodo

- numero di archi che entrano nel nodo

Grado di uscita di un nodo

- numero di archi che partono dal nodo



La **dimensione** di un grafo è praticamente data dal numero di dimensioni che servono per poterlo "disegnare" senza incroci

- Le molecole del DNA formano un grafo tridimensionale
- Le liste sono casi monodimensionali di grafi (ogni nodo ha un arco di ingresso e uno di uscita)

Le strutture di relazione tra elementi si rappresentano come grafi

ALBERO BINARIO

La struttura di grafo ad **albero**, bi-dimensionale, presenta numerosissime applicazioni e riveste un ruolo fondamentale nell'informatica.

Ci soffermiamo sul cosiddetto *albero binario*: alberi più complessi possono essere facilmente ricavati come generalizzazione degli alberi binari. Sono possibili due definizioni teoriche di albero:

Definizione 1

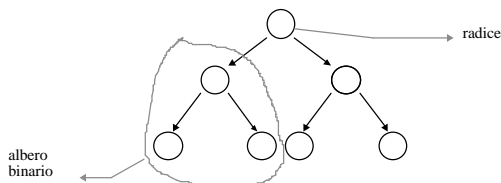
Un albero è un insieme finito di nodi e archi orientati. Ogni arco collega il nodo *padre* ad un nodo *figlio*.

- Ogni nodo ha esattamente un padre (grado di ingresso + 1)
- Ogni nodo ha al più due figli (grado di uscita ≤ 2).
- Il nodo *radice* non ha padre (grado di ingresso = 0)

Definizione Alternativa (a carattere ricorsivo)

Albero binario è un insieme finito di nodi e può essere:

1. insieme vuoto oppure
2. nodo radice + due alberi binari disgiunti, detti rispettivamente *sottoalbero sinistro* e *sottoalbero destro*



Terminologia relativa agli alberi

- *livello di un nodo*: distanza dalla radice, espressa come numero di archi di cui è composto il cammino dalla radice al nodo; la radice è a livello 0;
- *profondità (o altezza) dell'albero*: massimo livello dei nodi dell'albero;
- *foglia*: nodo senza figli;
- *predecessore*: relazione strutturale, ottenibile applicando la proprietà transitiva alla relazione padre-figlio.

Predecessore è una relazione d'ordine *parziale*, cioè dati due nodi dell'albero o uno è predecessore dell'altro, in quanto esiste un percorso di archi dall'uno all'altro, oppure non c'è relazione.

Si può anche definire una relazione *successore*, inversa di predecessore.

Il massimo numero di nodi a livello i ($i \geq 0$) è 2^i , come si può verificare per induzione:

- $2^0 = 1$,
- se il massimo numero di nodi a livello i è 2^i , poichè ogni nodo al livello i può avere al più due figli, al livello $i+1$ il massimo numero di nodi è $2 * 2^i = 2^{i+1}$.
- Il massimo numero complessivo di nodi in un albero di profondità k è $2^0 + 2^1 + \dots + 2^k = 2^{k+1} - 1$.

Visite di un albero

Visitare un grafo, in genere significa:

- percorrere tutti i suoi nodi una volta e una sola
- o piú, in generale, visitare un insieme specifico di nodi...

Si visita un albero per *visualizzare*, *elaborare*, *modificare* il contenuto informativo dei nodi.

La visita di un albero può seguire uno delle seguenti modalità base:

- *preordine*: la visita della radice è seguita dalla visita dei sottoalberi
- *postordine*: la visita dei sottoalberi è seguita dalla visita della radice
- *ordine centrale (simmetrica)*: la visita della radice è intermedia alle visite dei sottoalberi;

La definizione ricorsiva di albero suggerisce la realizzazione delle varie operazioni con **programmazione ricorsiva**: le posizioni dei figli di un nodo possono essere trattate come posizioni di radici di alberi.

```
void PreOrdine(Posiz N, AlbBin T){
  if <albero non vuoto>
  {
    Visita(N);                /* A */
    PreOrdine(<figlio sinistro>, T); /* B */
    PreOrdine(<figlio destro>, T); /* C */
  }
} /* end PreOrdine */
```

Le altre modalità di visita si ottengono semplicemente modificando l'ordine delle operazioni nel corpo della procedura:

- B,C,A per il post-ordine e
- B,A,C per l'ordine centrale.

Alberi Binari di Ricerca (BST)

La struttura ad albero binario si presta alla gestione di insiemi di dati su cui è definita una *relazione d'ordine lineare*.

- alberi binari con dati ordinati sono detti *Alberi Binari di Ricerca (BST = Binary Search Trees)*
- *Uso* albero per ricerche con tecnica dicotomica.

Si suppone che siano disponibili due funzioni *Minore* e *Uguale* in grado di verificare la relazione d'ordine e l'uguaglianza fra due atomi.

Si suppone inoltre di non voler memorizzare nel BST due atomi uguali.

Nella pratica, l'albero binario di ricerca si presta alla realizzazione della struttura astratta *dizionario*.

- informazione memorizzata è partizionata in due componenti: *chiave* e *informazione associata*.
- relazione d'ordine e operazioni di confronto soltanto sulla base della chiave.

Operazioni in Alberi Binari di Ricerca

Ordinamento a carattere ricorsivo

- l'atomo nella radice di un BST partiziona gli atomi dei nodi in due sottoinsiemi:
- quelli minori stanno nei nodi del sottoalbero sinistro, quelli maggiori nei nodi del sottoalbero destro.
- Lo stesso vale per tutti i sottoalberi

Anche nei BST si limitano le operazioni possibili, poiché è necessario che ogni inserimento e cancellazione rispetti il criterio di ordinamento detto.

Descrizione	intestazione delle funzioni in C
Esegue una visualizzazione completa degli atomi di B secondo il criterio di ordinamento	<code>void BstVisitaOrd (Bst B)</code>
recupera l'atomo contenuto in un nodo che risulta <i>uguale</i> ad A	<code>int BstRecupera(Atomo *A, Bst B)</code>

E' possibile realizzare l'albero binario rappresentando con i puntatori le relazioni d'ordine:

- ogni nodo è interessato dalle due relazioni dei *più grandi* e *piccoli*
- in mancanza di successori da uno dei due lati, il rispettivo puntatore avrà valore nil.

```
/* OPERAZIONI DI BST */
```

```
/* Bst.h*/
#define BstChiaveEsistente 1
/*In inser. per duplicati */
#define BstChiaveAssente 2
/* In cancellaz. e recupero. */
#define BstOK 0

typedef struct TNode{
  Atomo Dato;
  struct TNode *Sx,*Dx;
} Node;

typedef Node *Posiz;
typedef Posiz Bst;

extern void BstCrea(Bst *B);
extern int BstInserisci(Bst *B, Atomo A);
extern void VisitaOrdinata(Bst B);
extern int BstCancella(Bst *B, Atomo A);
extern int BstRecupera(Bst B, Atomo *A);

extern int BstStato;
```

```

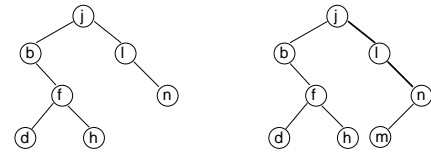
/* IMPLEMENTAZIONE BST */
/* albero binario di ricerca implem. con
puntatori */
#include "InfoBase.h"
#include "Bst.h"
#include <stdlib.h>

int BstStato;
Posiz BstTrova(Bst B, Atomo A);
void CancellaMin(Atomo *Min, Bst *B);

/* BstCrea */
void BstCrea(Bst *B){
  (*B) = NULL;
} /* end BstCrea */

```

OPERAZIONE DI INSERIMENTO



Inserimento della chiave *m*

Si sfrutta il criterio di ordinamento per cercare il punto in cui inserire un nuovo elemento con tecnica dicotomica

- se il l'albero considerato è vuoto crea un nodo e l'albero diventa a un nodo, altrimenti se l'oggetto da inserire è uguale alla radice
 - rifiuta l'inserimento
- altrimenti se l'oggetto da inserire è < della radice
 - inserisce nel sottoalbero sinistro
- altrimenti
 - inserisce nel sottoalbero destro

Il nuovo nodo sarà sempre inserito come foglia, quindi con i due sottoalberi vuoti.

```

/* impl. operazione inserimento */
/* BstInserisci */
int BstInserisci(Bst *B, Atomo A) {
  BstStato=BstChiaveEsistente;
  if (*B==NULL)
  {
    /* Creazione nodo */
    (*B)=(Bst)malloc(sizeof(Nodo));
    (*B)->Dato=A;
    (*B)->Sx=NULL;
    (*B)->Dx=NULL;
    BstStato=BstOK;
  }
  else
  if (Minore(A,(*B)->Dato))
    BstInserisci(&(*B)->Sx,A);
  else
  if (Minore((*B)->Dato,A))
    BstInserisci(&(*B)->Dx,A);
  return BstStato;
} /* end BstInserisci*/

```

OPERAZIONE DI AGGIORNAMENTO

L'operazione di aggiornamento richiede di trovare la posizione del nodo con chiave uguale a quella dell'atomo di ingresso.

- si programma una funzione interna che restituisce la posizione del nodo contenente un atomo assegnato
- la funzione ricorsiva *BstTrova* realizza la ricerca dicotomica, come semplice variazione della visita in pre-ordine centrale
- la funzione *BstRecupera* restituisce quindi l'atomo *A* corrispondente alla chiave cercata.
- in caso di non ritrovamento della chiave, la funzione restituisce lo stato di *chiave assente*.

AGGIORNAMENTO

```

/* BstTrova: usato solo internamente */
Posiz BstTrova(Bst B, Atomo A) {
  BstStato=BstOK; /* verra' cambiato valore
                  solo se necessario */
  if (B==NULL){
    BstStato=BstChiaveAssente;
    return NULL;
  }
  else
    if (Uguale(B->Dato,A))
      return (Posiz)B;
    else
      if (Minore(A,B->Dato))
        return (Posiz)BstTrova(B->Sx,A);
      else
        return (Posiz)BstTrova(B->Dx,A);
} /* end BstTrova */

/* BstRecupera */
int BstRecupera(Bst B, Atomo *A) {
  Posiz P;
  P=BstTrova(B,(*A));
  *A=(P->Dato);
  return BstStato;
} /* end BstRecupera */

```

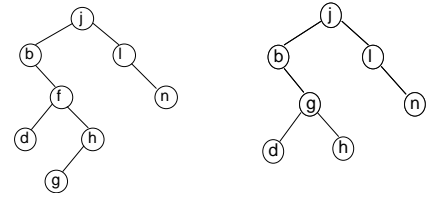
CANCELLAZIONE DI UN NODO

La cancellazione di un nodo qualunque N dell'albero pone due problemi:

- non perdere i sottoalberi di N, reinserendoli nell'albero
- garantire il mantenimento del criterio di ordinamento dell'albero.

Occorre distinguere diversi casi, a seconda che N sia foglia oppure abbia uno o due sottoalberi non vuoti:

- se N è foglia non è necessaria alcuna azione correttiva per mantenere la condizione di BST;
- se N non è foglia è necessario modificare la struttura dell'albero, tenendo conto che l'atomo minimo del sottoalbero destro di N, che chiameremo MinDx(N), partiziona i valori dell'albero che ha radice in N: i valori del sottoalbero sinistro di N sono tutti minori di MinDx(N)
- se N ha due figli, può essere sostituito dal minimo del suo sottoalbero destro MinDx(N)
- se N ha un solo figlio può essere direttamente sostituito dal figlio



ALGORITMO DI CANCELLAZIONE

Richiede:

- l'individuazione la cancellazione del nodo con chiave minima di un sottoalbero, per mantenere la proprietà di ordinamento, secondo il seguente algoritmo
- si mostra solo la cancellazione della radice di un albero; la cancellazione di un nodo qualunque dell'albero sarà preceduta da una fase di ricerca):

- se la radice ha due sottoalberi non vuoti
 - cancella il nodo con chiave minima e memorizzane il contenuto Min
 - sostituisci al contenuto della radice il dato Min
 - altrimenti
 - se c'è soltanto il sottoalbero sinistro
 - sostituisci alla radice il suo figlio sinistro
 - altrimenti
 - se c'è soltanto il sottoalbero destro
 - sostituisci alla radice il suo figlio destro
 - altrimenti
 - cancella la radice, poiché è una foglia

CANCELLAZIONE /* BstCancella */

```

int BstCancella(Bst *B, Atomo A) {
  Posiz Temp;
  Atomo Min;
  BstStato=BstOK;
  if ((*B)==NULL)
    BstStato = BstChiaveAssente;
  else
    if (Minore(A,(*B)->Dato))
      BstCancella(&(*B)->Sx,A);
    else
      if (Minore((*B)->Dato,A))
        BstCancella(&(*B)->Dx,A);
      else { /*B punta al nodo che contiene A */
        if (((*B)->Sx!=NULL) && ((*B)->Dx!=NULL))
          /* Ci sono entrambi i sottoalberi
          */
          Cancellamin(&Min,&(*B)->Dx);
          (*B)->Dato=Min;
        }
      }
}

```

```

/* CONTINUA BstCancella */
else
{
    /* c'e' al piu' un figlio, Sx o Dx
    */
    Temp=(*B);
    if ((*B)->Sx!=NULL)
        (*B)=(*B)->Sx; /* solo sottoalb. Sx
    */
    else
    if ((*B)->Dx!=NULL)
        (*B)=(*B)->Dx; /* solo sottoalb. Dx
    */
    else /* il nodo e' una foglia: */
        (*B)=NULL; /* eliminazione
    */
    free(Temp);
}
}
return BstStato;
} /* end CancellaBst */

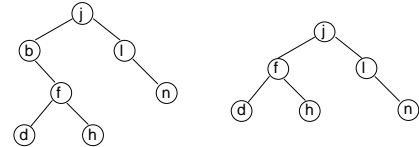
```

CANCELLAZIONE (continua..)

L'operazione CancellaMin per cancellare il nodo con chiave minima dell'albero non ha rilevanza di per se, pertanto non è stata inclusa, fra le operazioni di base.

L'elemento minimo Min di un BST è nel nodo più a sinistra e valgono le seguenti proprietà:

- Min è figlio sinistro del genitore;
- Min può essere:
 - foglia,
 - non foglia: in tal caso avrà soltanto un figlio destro (radice di un sottoalbero);
- tutti i nodi del sottoalbero destro di Min hanno chiavi minori della chiave del genitore di Min;
- all'eliminazione del nodo contenente Min il suo figlio destro può divenire figlio sinistro del genitore del nodo eliminato.



```

/* CancellaMin: uso interno */
void CancellaMin(Atomo *Min, Bst *B){
    Posiz Temp;

    if ((*B)!=NULL)
    if ((*B)->Sx!=NULL)
        CancellaMin(Min,&(*B)->Sx);
    else
    {
        /* B punta al nodo con il minimo
        */
        Temp=*B;
        *Min=(*B)->Dato;
        *B=(*B)->Dx;
        free(Temp);
    }
} /* end CancellaMin */

```

Quando sono presenti entrambi i sottoalberi, l'eliminazione fisica (con free) di un nodo è eseguita dalla CancellaMin

La Cancella sostituisce nel nodo da cancellare effettivamente l'atomo restituito come parametro di uscita da CancellaMin. Negli altri casi la Cancella esegue l'eliminazione diretta dal nodo.

VISUALIZZAZIONE ORDINATA BST

Procedura di visualizzazione completa e ordinata di un BST:

- semplice visita in ordine simmetrico.

```

/* VisitaOrdinata */
void VisitaOrdinata(Bst B) {
    if (B!=NULL)
    {
        VisitaOrdinata(B->Sx);
        Visualizza(B->Dato);
        VisitaOrdinata(B->Dx);
    }
} /* end VisitaOrdinata */

```

Esempio di utilizzo di alberi binari di ricerca

Programma per la creazione, cancellazione e visualizzazione di un dizionario

- informazione è costituita da una chiave, in base alla quale si eseguono ricerche e ordinamenti
- e da una stringa associata.

Il programma esegue tre cicli:

- inserimento di dati nell'albero,
- ricerca di chiavi nell'albero
- cancellazione di chiavi dall'albero;

Per il confronto fra stringhe si fa ricorso alla *libreria standard* string.h.

Header per il trattamento del dato:

```
/* InfoBase.h */
#include <string.h>
typedef int boolean;
typedef struct {
    char chiave[16];
    char stringa[48];
} Atomo;

extern void Acquisisci(Atomo *A);
extern void AcquisisciChiave(Atomo *A);
extern void Visualizza(Atomo A);
extern boolean Minore(Atomo A,Atomo B);
extern boolean AtomoNull(Atomo A);
extern boolean Uguale(Atomo A,Atomo B);
```

Libreria per il trattamento del dato:

```
/* InfoBase.c */

#include <stdio.h>
#include "InfoBase.h"

#define Terminatore "."

void Acquisisci(Atomo *A){
    printf("inserire la chiave (max 15
caratteri, ");
    printf(Terminatore);
    printf(" per terminare          ");
    scanf("%s", &(A->chiave));
    if (!AtomoNull(*A)){
        printf("inserire l'informazione (max 47
car.) ");
        scanf("%s", &(A->stringa));
    }
}

void AcquisisciChiave(Atomo *A){
    printf("inserire la chiave (max 15
caratteri) ");
    scanf("%s", &(A->chiave));
}

void Visualizza(Atomo A){
    printf("chiave: %s\tinfo:
%s\n",A.chiave,A.stringa);
}
/* end Visualizza */
```

/* infobase.c -- Continua */

```
boolean Minore(Atomo A,Atomo B){
    return (strcmp(A.chiave,B.chiave)<0);
}
/* strcmp presa da
string.h */
```

```
boolean AtomoNull(Atomo A){
    return !strcmp(A.chiave,Terminatore);
}
```

```
boolean Uguale(Atomo A,Atomo B){
    return !strcmp(A.chiave,B.chiave);
}
```

ESEMPIO DI UTILIZZO

Infine, il seguente programma è un esempio di utilizzo delle librerie sopra illustrate:

```
#include <stdio.h>
#include <stdlib.h>

#include "InfoBase.h"
#include "Bst.h"

int main(void){
    Atomo A;
    Bst B;
    BstCrea(&B);
    printf("Ciclo di inserimento\n");
    do { /* ripeti finche' atomo non nullo */
        Acquisisci(&A);
        if (!AtomoNull(A)){
            if(BstInserisci(&B,A)) /*l'unico err.
possibile e' quello di "chiave gia'
esistente" */
                printf("Chiave esistente\n");
        } } while (!AtomoNull(A));
```

```

VisitaOrdinata(B);

printf("Ciclo di ricerca\n");
do { /* ripeti finche' atomo non nullo */
  AcquisisciChiave(&A);
  if (!AtomoNullo(A)){
    if (BstRecupera(B,&A)){ /* l'unico err.
possibile e' quello di "chiave assente" */
      printf("Chiave inesistente\n");
    }
    else{
      Visualizza(A);
    }
  }
} while (!AtomoNullo(A));

printf("Ciclo di cancellazione\n");
do { /* ripeti finche' atomo non nullo */
  AcquisisciChiave(&A);
  if (!AtomoNullo(A)){
    if (BstCancella(&B,A)){ /* l'unico err.
possibile e' quello di "chiave assente" */
      printf("Chiave inesistente\n");
    }
    else VisitaOrdinata(B); /* in caso di
successo mostra l'albero dopo la cancell. */
  }
} while (!AtomoNullo(A));
printf("Fine Lavoro");
return 0;
}
    
```

Complessità delle operazioni su alberi

Tutte le operazioni su alberi, ad eccezione della creazione, vengono eseguite in tempo $O(h)$, dove h è la profondità dell'albero.

Prova intuitiva: le procedure viste

- non contengono cicli,
- sono ricorsive ed eseguono sempre una singola *navigazione verso il basso*,
- terminano quando viene incontrata una foglia.

Per effetto del secondo e del terzo punto

- il numero di attivazioni di procedura è sempre uguale alla profondità di una foglia
- l'assenza di cicli interni alle procedure rende la complessità di caso peggiore delle singole chiamate costante rispetto alle dimensioni del problema. N

Complessità delle operazioni su alberi: Visioni Alternative

Sarebbe più interessante esprimere la complessità delle operazioni in funzione di una dimensione più significativa, quale il numero di nodi n dell'albero, ma il legame fra n e h non è noto a priori, poiché:

- la *forma* dell'albero dipende dall'ordine degli inserimenti, come mostrato in figura

<p>Albero generato dalla sequenza j,d,b,g,n,l,q;</p> <p>quali altre sequenze lo generano?</p>	
<p>Albero generato dalla sequenza b,d,g,j,l,n,q;</p> <p>quali altre sequenze generano un albero di profondità massima?</p>	

In particolare, il massimo valore di h è $n-1$,

- nel caso peggiore la complessità diventa lineare.

Viceversa

- h è minima se tutti i percorsi dalla radice alle foglie hanno lunghezza $h-1$ o h .

Supponendo che tutti i percorsi siano uguali di lunghezza h , vale la relazione $n = 2^{h+1} - 1$, quindi se h è minima h è $O(\log n)$, e quindi

- le operazioni hanno complessità $O(\log n)$.

Albero bilanciato

Per garantire che le operazioni abbiano una complessità logaritmica esistono due possibilità:

- fidarsi di un comportamento casuale che genera un albero di profondità *quasi* minima,
- intraprendere azioni correttive *durante* la costruzione dell'albero in caso di *sbilanciamento*.

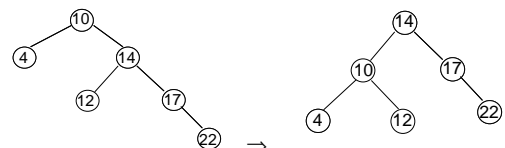
Un albero è *bilanciato* se:

- ad ogni nodo la differenza fra le profondità dei suoi due sottoalberi è al più 1.

La profondità di un albero bilanciato è sempre $O(\log n)$.

Un albero bilanciato può essere ottenuto per ridefinizione delle operazioni su BST: in questo caso si parla di *AVL-tree* (dai nomi degli inventori Adel'son-Velskii e Landis, 1962).

- gli algoritmi di inserimento e cancellazione sono estesi con operazioni di *soccorso*, chiamate per ristabilire il bilanciamento in caso di necessità.
- le operazioni di soccorso si basano sul concetto di *rotazione* di una porzione di albero, come mostrato in figura
- la struttura di un nodo deve venire estesa per contenere l'altezza del sottoalbero di cui il nodo è radice.

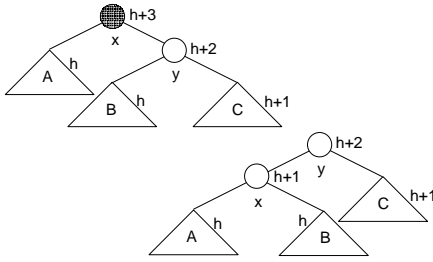


Rotazione

La figura mostra come variano le altezze dei sottoalberi di un nodo sottoposto a rotazione.

Se lo sbilanciamento di x è dovuto al figlio destro del figlio destro:

- una *rotazione verso sinistra* su x ristabilisce il bilanciamento.

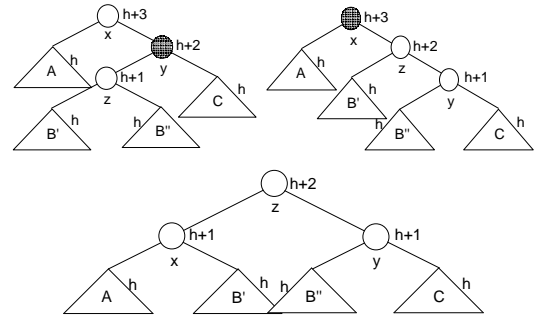


Doppia Rotazione

Se invece lo sbilanciamento nel nodo x è dovuto al figlio sinistro del figlio destro si deve fare una doppia rotazione

- una *rotazione verso destra* su y riporta al caso precedente,
- e una *rotazione verso sinistra* su x ristabilisce il bilanciamento.

Vedi figure sotto.



Ogni operazione di rotazione richiede la ristrutturazione dei puntatori e il ricalcolo delle altezze ai nodi.

- modifica le operazioni di inserimento e cancellazione, inserendo le opportune chiamate alle operazioni di soccorso
- dopo una modifica dell'albero si può chiamare una procedura *FissaAltezza* per ricalcolare l'altezza dell'albero
- per valutare se un albero è bilanciato, confrontando le altezze dei suoi figli chiamare una procedura *BilanciaSx* o *BilanciaDx*
- le procedure di bilanciamento dovranno poi chiamare in modo opportuno le procedure di rotazione *RuotaSx*, *RuotaDx*, che implementano le operazioni illustrate nelle figure